

2-2013

SPORING AV RØMT OPPDRETTSFISK

ERFARINGAR GJENNOM TI ÅR (2003–2013) OG KUNNSKAPSSTATUS

Øystein Skaala, Anne Grete Sørvik og Kevin A. Glover



HAVFORSKNINGSINSTITUTTET
INSTITUTE OF MARINE RESEARCH

SPORING AV RØMT OPPDRETTSFISK

Når fiskeriforvaltinga skal identifisera opphavet til urapportert rømt fisk, brukar ein fisken sitt naturlege DNA. Slike DNA-baserte metodar er i stor grad utvikla med utgangspunkt i humangenetikk og rettsmedisin, og sidan resultata eventuelt skal nyttast i etterfølgjande strafferetslege saker, må prosedyrane følgjast nøy for å eliminera feilkjelder.

DNA-beredskapsmetoden utvikla ved Havforskingstituttet har i fleire strafferechtslege saker medfört oppklaring og domfelling. Dette er dei første døma i verda på at DNA er brukt til identifisering av opphavet til rømt fisk.

Det er no 10 år sidan arbeidet med utvikling av metodar for sporing av rømt fisk tok til, og i dette Hayforskingstemaet får du oversikt over fordelar og ulemper ved ulike metodar, og vi samanfattar kva erfaringar vi har med sporing så langt. Hovudvekta er derfor lagt på den metoden som er implementert i fiskeriforvaltinga.

Kvifor ønskjer forvaltinga å identifisera rømt fisk?

Rømt oppdrettslaks og endringar av dei arvelege eigenskapane til ville laksebestandar er av forvaltinga rekna som eit av dei alvorlege miljøproblema knytt til norsk fiskeoppdrett. Det er to grunnar til at ein ønskjer å identifisera rømt oppdrettsfisk, og desse stiller ulike krav til metodikk for identifisering.

- A)** Dersom føremålet kun er å fjerna rømt oppdrettsfisk frå villaksen sine gyteområde utan å fastslå kvar den kjem frå, er det tilstrekkeleg å kunna avgjera om fisken er vill eller rømt. Då er målet å fjerna rømlingane før dei gyter og eventuelt påverkar den ville populasjonen genetisk.
- B)** Dersom ein ønskjer å finna kjelda til den rømte laksen, stiller dette langt fleire krav til metodikken. Føremålet med å identifisera kjelda er å finna årsaker til rømmingen, slik at ein eventuelt kan setje i gang tiltak både for å redusera omfanget og samsundes dra lærdom av hendinga. Då kan også forvaltinga avgjera om det føreligg årsaker til rømmingen som skal etterforskast vidare slik at oppdrettar eventuelt kan gjerast ansvarleg for dei miljømessige og økonomiske følgjene av hendinga.



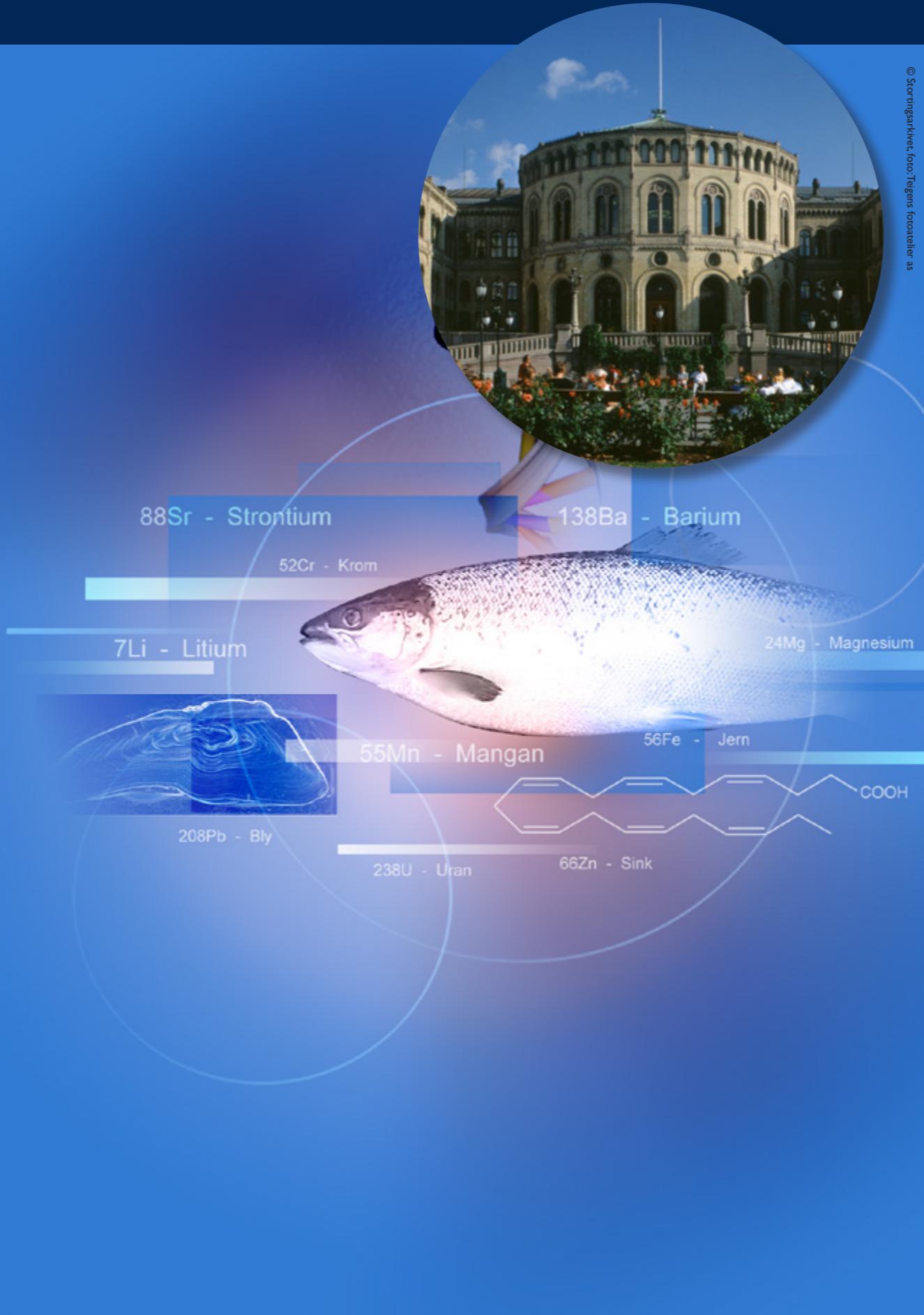
Stortinget tok initiativ til utgjeiing

Det første initiativet til å greia ut metodar for identifisering av oppdrettslaks vart teke av politiske styresmakter for over ti år sidan (St. meld. nr. 12 (2001-2002) Rent og rikt hav, og Inst.S. nr.134 (2002-2003) Om oppretting av nasjonale laksevassdrag og laksefjorder). I kjølvatnet av dette vart ”Merkeutvalet” oppnemnt med representantar frå forvalting, forsking og havbruksnærings. Utvalet gjekk gjennom alle kjente metodar for merking, for eksempel ytre merke med robotar, elektroniske merke, fysiske merke, kjemiske merke og DNA. Det vart henta inn informasjon og innspel frå ei rekke offentlege og private fagmiljø. I den einstemmige innstillinga frå utvalet i 2004 vart det spesifisert ei rekke kriterie som eit merke må oppfylla om det skal vera eigna til identifisering og sporing av rømt oppdrettslaks.

Desse kriteria var:

1. Merket må ikkje ha innverknad på fiskehelse eller dyrevelferd
2. Merket må ikkje ha innverknad på marknad eller folkehelse
3. Fysiske merke må vera så små at fisken kan merkjast før smoltifisering (<10 cm fisk)
4. Merket måtte vera ferdig utvikla innan to år
5. Resultat frå analysar må vera lett tilgjengelege
6. Merket må vera eigna til merking av store mengder fisk
7. Total kostnad per merka fisk må vera låg

I juni 2004 la utvalet fram ein rapport med einstemmig konklusjon, der det vart tilrådd å vidareutvikla dei to metodane som såg ut til å vera nærmest til å oppfylla kriteria for eit merke. Dette var fysisk snutemerking med gruppekode og ”Stand-by”-metoden (beredskapsmetoden) med bruk av fiskens sine naturlege markørar, inkludert DNA. I etterkant av dette inviterte Havforskningsinstituttet ei rekke fagmiljø til eit prosjekt som fekk tittel *TRACES; Tracing escaped farmed salmon by means of naturally occurring DNA markers, fatty acid profiles, trace elements and stable isotopes*. Prosjektet blei finansiert av Forskningsrådet, og hadde som mål å undersøkja om laksen sine naturlege eigenskapar kan nyttast for å identifisera kjelda til urapporterte rømingsepisodar. Ein la veka på DNA-markørar (mikrosatellitt og SNP), lipidprofilar, sporelement og stabile isotopar. TRACES-prosjektet avdekkja at med unntak av DNA-baserte metodar, stod det att betydeleg utviklingsarbeid for metodane eventuelt kunne implementerast i forvaltinga for sporing av opphavet til rømt oppdrettsfisk.



© Stortingsarkivet foto: Teigen's fotostudio as

DNA-REVOLUSJON I RETTSMEDISINEN

Det var eit stort framsteg då profesor Peter Gill og kollegar ved Forensic Science Service i England på 1980-talet oppdaga korleis DNA kan nyttast i rettsmedisin. I Noreg vart DNA nytt i farskapstesting første gong i 1989 ved Rettssmedisinsk institutt, og etter 1992 er det kun DNA som vert brukt til dette. Alle individ har sitt eige unike DNA-fingeravtrykk, og då den molekulargenetiske utviklinga gjorde det mogeleg å framkalla denne variasjonen i DNA-et, hadde ein eit nytt og kraftig verktøy. DNA-et fins i kvar celle i kroppen, og mengda i ei hårrot eller endåt mengda avsett på ein gafel eller ein sigarettsneip kan vera nok til å identifisera ein person. Til vårt føremål kan det vera nok DNA i ein bit av eit fiskeskjel. DNA finst i nesten alt biologisk materiale, det er svært stabilt, det blir ikkje påverka av kva du et eller drikke eller kva miljø du ferdast i, og det endrar seg ikkje gjennom livsløpet til eit individ. Det DNA-et du har med deg frå mor og far har du med deg heile livet, og lenge etterpå. Bruken av DNA i rettsmedisin kiver på svært strenge prosedyrar der kravet til kvalitetssikring er høgt, og vi er kjent med at i fyrtninga vart det i saker i USA gjort avvik frå prosedyra som medførte mistillit til metoden. I dag er det heilt utenkjeleg at ein ikkje skal bruka DNA i rettsmedisin.



OVERSIKT OVER METODAR

DNA beredskapsmetoden

Fysisk individ
eller gruppemerking

DNA databasemetoden

Kjemisk merking

Fettfinneklypping

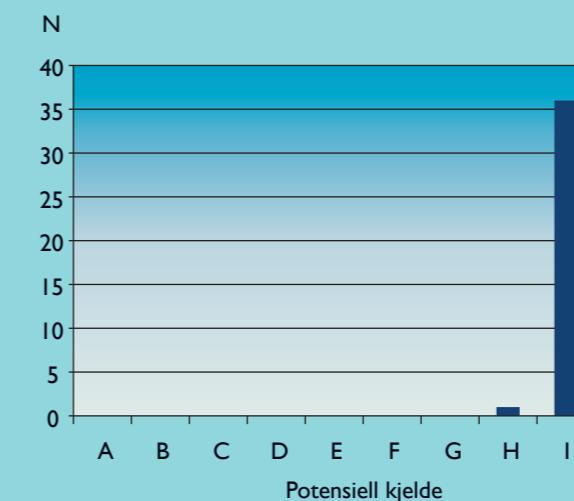


A) DNA BEREDSKAPSMETODEN - ENKEL OG KOSTNADSEFFEKTIV

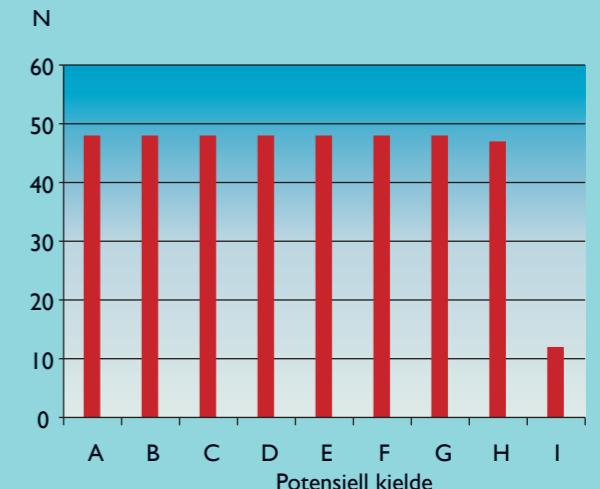
Beredskapsmetoden baserer seg på fisken sine eigne, naturlege merke, i fyrste rekkje DNA-et. I motsetnad til dei andre metodane vi omtalar her, er denne metoden teken i bruk i praksis, fyrste gong i 2006. Den er brukt i 15 konkrete saker, og det føreligg ein omfattande internasjonal, vitskapleg dokumentasjon på at metoden fungerer til å spora rømt fisk tilbake til anlegg. Dette gir grunnlag for meir presise formuleringar med omsyn til både gjennomføring og kostnadar enn for andre metodar. Beredskapsmetoden samanliknar DNA-profil hos den einskilde rømte laksen med DNA-profil hos fisk i anlegga som ligg innan ein viss avstand frå den observerte førekosten av rømlingar. Metoden er utvikla for å identifisera opphavet til større, urapporterte rømingar og eignar seg ikkje ved "drypplekkasjar". Som for alle andre metodar, må prosedyrane for DNA-sporing følgjast nøyne. Prosedyrane for beredskapsmetoden krev rask respons. Når publikum registerer fangstar av rømlingar og kontaktar forvaltinga, skal forvaltinga umiddelbart avklara om det er meldt tap av fisk frå anlegg i området. Dersom ingen har meldt om tap, skal det iverksetjast innsamling av prøvar av rømt fisk og av fisk frå anlegga i området som har fisk av same storleik.

I praksis har det vist seg at når ein kjem raskt i gang med innsamling og sikring av prøvar, og ein ser på biologiske trekk ved rømlingane som til dømes storleik, er det ikkje så mange anlegg som ligg innanfor sannsynleg rømingsområde. Eit døme på dette er ei sporing i Troms, der det var ni mogelege kjelder til ei urapportert røming. Testane viste at 37 av dei 48 innfanga rømlingane passa i profilen til eitt av anlegga (figur 1). Samstundes vart dei åtte andre anlegga "frikjende" sidan DNA-profilen til rømlingane viste at dei ikkje samsvarer med desse anlegga. For anlegg I derimot, vart berre 12 av dei 48 rømlingane avviste.

Beredskapsmetoden krev verken merking av fisk eller oppbygging, drift og vedlikehald av databasar for oppdrettslaks eller villaks. Metoden utløyer berre kostnadar når forvaltinga registrerer ei sak dei ønskjer å følgja opp. For ei typisk sak som den i Troms, med analysar av under 1000 individ, vil kostnadane vera samansette av løn til forskar og laboratorieteknikar, laboratoriekostnad samt kostnadar til innsamling av prøvar av rømt fisk og referanseprøvar frå anlegg i nærområdet, totalt under 200 000 kroner. Beredskapsmetoden er difor både enkel og svært kostnadseffektiv.



Figur 1.
I denne sporingssaka var det ni potensielle kjelder, her kalla A–I, for den urapporterte røminga. Diagrammet til venstre viser kor mange av dei 48 innfanga rømlingane som gav treff på dei potensielle kjeldene, og peikar på sannsynleg kjelde. Det høgre diagrammet viser kor mange av rømlingane som har genotypar som tilseier at dei ikkje kan koma frå merd A–I.



DNA

BEREDSKAPSMETODEN

- Beredskapsmetoden baserer seg på fisken sitt eige, naturlege DNA
- Første gong testa i 2006
- Internasjonalt publisert og dokumentert
- Samanliknar DNA-profil hos den einskilde rømte laksen med DNA-profil hos fisk i anlegg
- Utvikla for å identifisera opphavet til større, urapporterte rømingar
- Krev ikkje merking av fisk, heller ikkje databasar for oppdrettslaks eller villaks
- Prosedyrane for beredskapsmetoden krev rask respons av forvaltinga



1 Rømt fisk blir oppdaget av allmennheten og rapportert til Fiskeridirektoratet



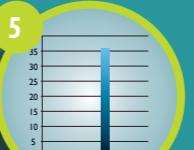
2 Fiskeridirektoratet ringjer opp alle oppdrettarar innanfor ein avstand frå observerte rømlingar



3 Dersom ingen bekreftar tap av fisk, tar Fiskeridirektoratet prøvar av fisk frå anlegg i området



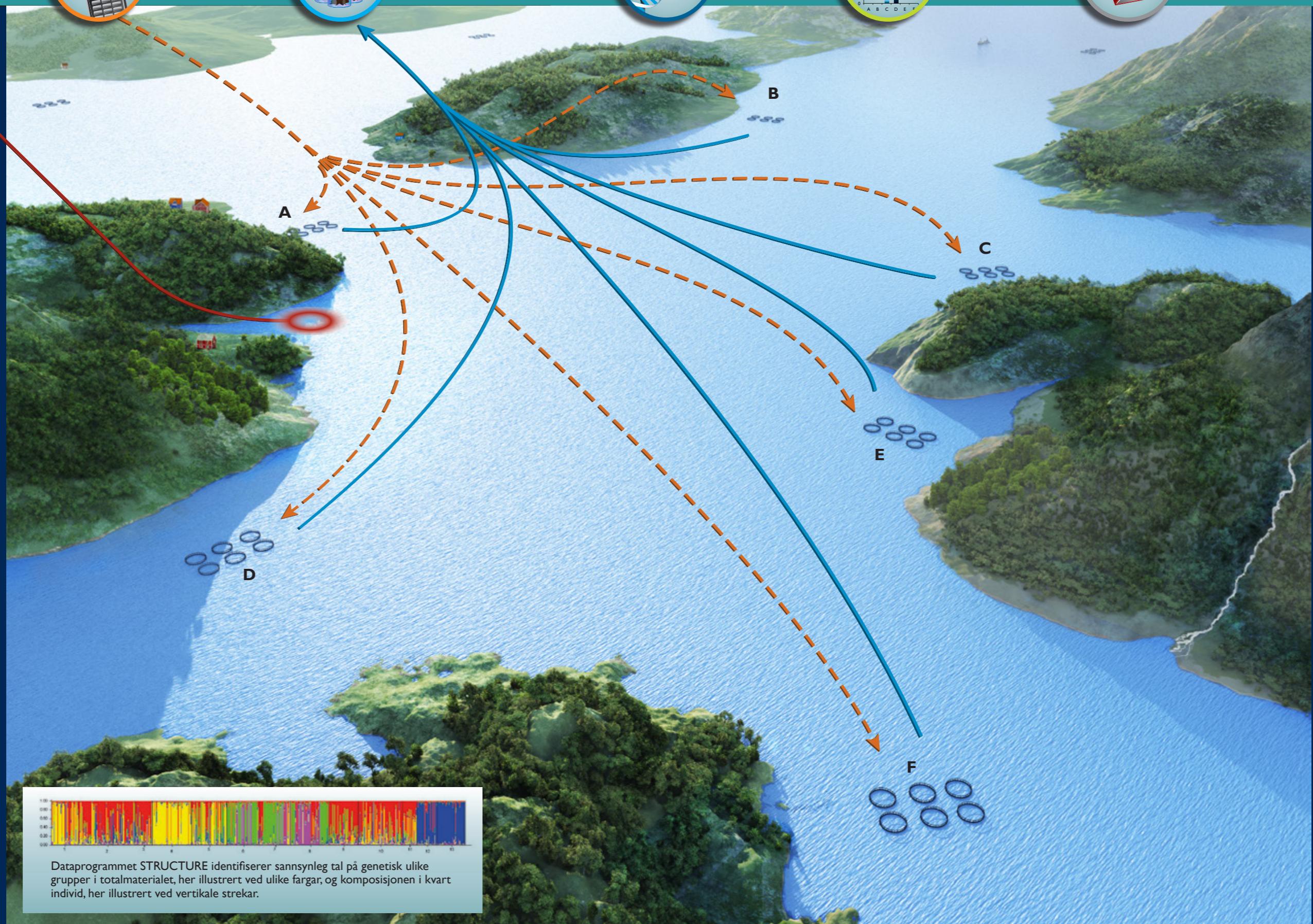
4 Forskningsinstitusjon (HI) lagar DNA profilar på rømlingar og fisk i anlegga



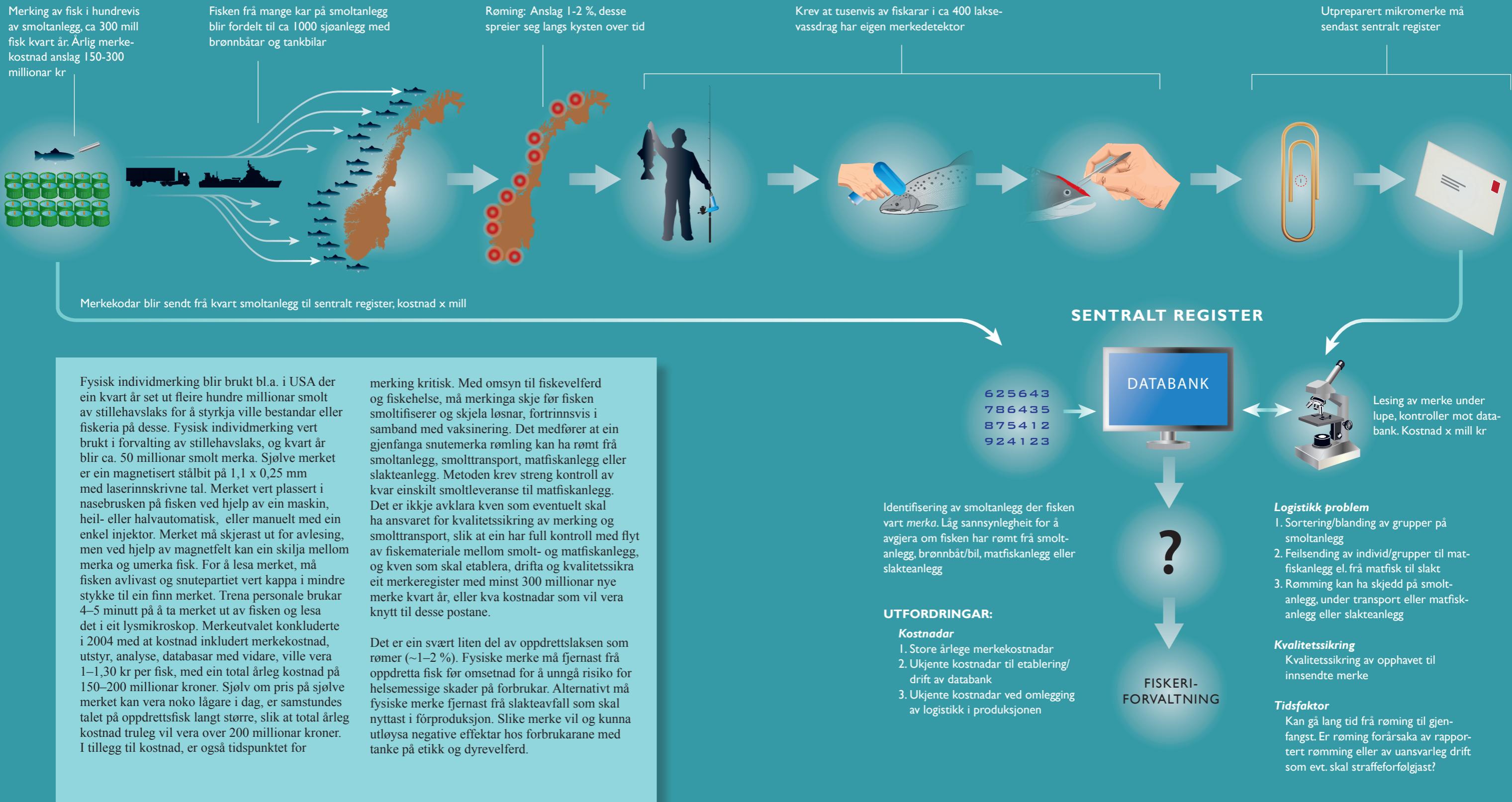
5 DNA profilane viser mest sannsynleg kjelde til rømlingane, og "frikjenner" samtidig andre anlegg



6 Fiskeridirektoratet avgjer om det skal startast detaljert etterforsking av dette anlegget



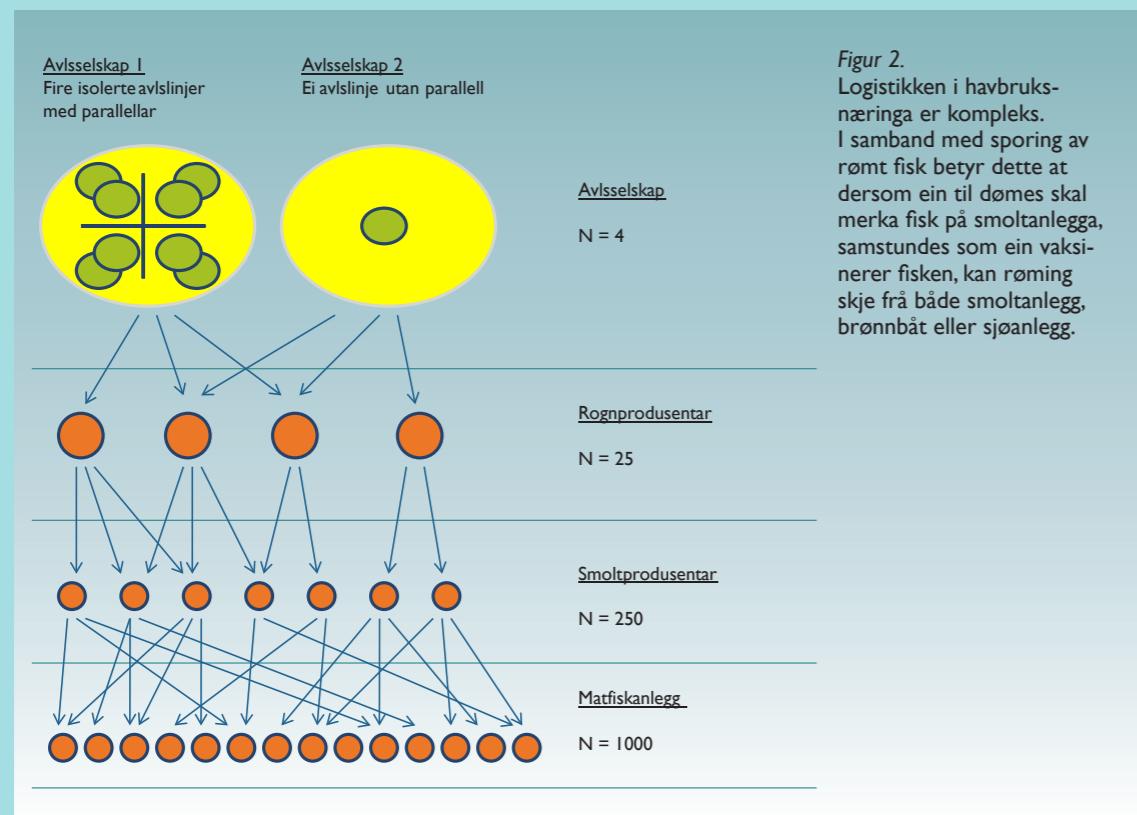
B) FYSISK INDIVID ELLER GRUPPEMERKING



C) DNA-DATABASEMETODEN

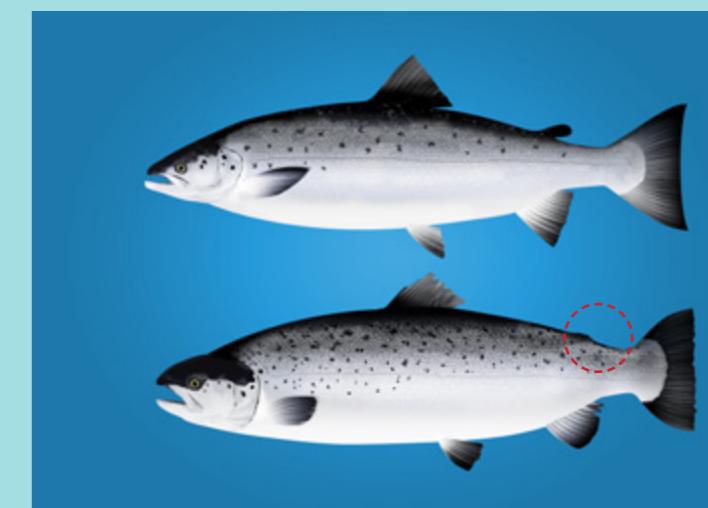
DNA-databasemetoden er eit system basert på omfattande foreldre-avkom-testing, med årleg genotyping av all stamfisk (anslagsvis 40 000–50 000 individ) i havbruksnæringa. DNA-profilane til stamfisken må deretter lagrast i databasar slik at profilen til ein rømt fisk kan samanliknast med denne. I prinsippet vil det vera mogeleg å identifisera kvart einaste avkom til foreldrefisk ved å genoty whole ca. 200 DNA-SNP-markørar. Metoden er basert på at ein produserer og leverer unike rognparti til kvart settefiskanlegg. I tillegg krev den full kontroll med logistikken i havbruksnæringa med kvalitetssikra oversikt og dokumentasjon av all omsetjing av rogn og fisk frå avlslinjene til stamfiskprodusentar, smoltprodusentar og matfiskanlegg. Den omfattande blandinga av materiale som føregår både innafor og mellom anlegg er imidlertid ei utfordring (figur 2).

Dei årlege kostnadane for genotypinga av stamfisk og drift av databasar er anslått til rundt 11 millionar kroner. I tillegg kjem kostnadene for næringa knytt til ei omfattande omlegging av logistikk og truleg også noko omlegging av sjølv produksjonen av rogn og fisk. Dette er kostnadene som ein ikkje har oversikt over i dag, og som ein først vil få oversikt over når ein kjem i gang og har hausta erfaring med systemet. Kostnadene med genotyping av rømlingar i kvart sporingstilfelle er ikkje inkludert i kostnadsanslaget på 11 millionar kroner. Det er uklart korleis kvalitetssikringa av flytting og omsetjing av rogn og fisk skal gjennomførast, om det skal vera næringa sjølv eller forvaltinga som har ansvaret for dette, og kven som skal ta kostnadene med å kvalitetssikra arbeidet og drifta databasar med relativt omfattande informasjonsmengder.



D) FETTFINNEKLIPPING

Ved fettfinnekipping klipper ein av heile eller delar av fettfinnen. Denne metoden har blitt brukt i eksperimentell skala länge. Ifølgje internasjonale avtalar skal all snutemerka laks også ha klipt fettfinne som eit synleg, tyre merke og signal på at individet er snutemerka. Havforskningsinstituttet gjorde i 2012 ei utgreiing av metoden for Mattilsynet med tanke på full fettfinnekipping som metode for å skilja villaks og rømt oppdrettslaks i vassdrag der ein ønsker å fjerna rømt oppdrettslaks. Instituttet fant ingen sterke dyrevelferdsmessige grunnar til å forbry dette. Det er initiert fleire grunnforskningsprosjekt der ein undersøker effekten av fysisk merking på fiskevelferd og fiskehelse. Desse konkluderer med at sårflatene etter inngrepene gror raskt og at fettfinnekipping difor kun medfører eit minimalt inngrep for fisken.



Figur 3.
Villaks og oppdrettslaks. Oppdrettslaksen med klipt fettfinne markert med raud sirkel.

E) KJEMISK MERKING

Førekomst og kvantitativ samansetjing av sporelement i vatn varierer mellom lokalitetar (innsjøar, vassdrag, fjordar og havområde). Internasjonale studiar har vist at samansetjinga av sporelement i kalsiumrike strukturar hos akvatisk organismar i stor grad avspeglar den kjemiske samansetjinga i vatnet. Skjel og otolittar (øyresteinlar) hos fisk er kalsiumrike strukturar som veks i takt med fisken, og ein ser ofte på dei som ferdsskrivarar der elementkomposisjonen i fisken sitt miljø blir inkorporert kontinuerleg i påvekstsoner i strukturane.

Alle grunnstoff finns i ulike variantar som vert kalla isotopar. Mange stoff som finns i miljøet, i vatn, bytdyr eller i fôr, vil bli avsett i små mengder i otolittane. I TRACES-prosjektet undersøkte ein om to isotopar av grunnstoffa karbon (C) og nitrogen (N) kan brukast for å skilja oppdrettslaks frå ulike oppdrettsanlegg. Dette arbeidet viste skilnadane mellom nokre undersøkte anlegg, samstundes som ein såg at konsentrasjonen av isotopar i t.d. øyresteinane og dermed signaturen endrar seg over tid etter at fisken hadde rømt, slik ein venta. Jo lengre tid fisken hadde vore på rømmen, jo større var endringa, og jo lågare vert presisjonen i metoden.

Gjennom TRACES-prosjektet undersøkte ein også den naturlege variasjonen av sporelement i skjel

innan og mellom individ i same årsklasse, der ein fokuserte på 16 grunnelement. Ei av utfordringane ein såg her, var variasjonen i komposisjon og konsentrasjonar av stoffa både innanfor ulike delar av eit fiskeskjell, mellom ulike plassar på fisken i tillegg til variasjonar i miljøet, noko ein hadde lite data på.

Havforskningsinstituttet gjennomfører no i samarbeid med Universitetet i Melbourne, grunnforsking der ein tilfører isotopar til oppdrettsfisk i samband med vaksinering. Resultata viser så langt ingen negativ effekt på overleving eller vekst hos fisken. 13 ulike isotopar vert testa ut, mellom anna av stoffa barium og strontium, som totalt kan gje 127 ulike merke og 8191 ulike kombinasjonar. I teorien er dette tilstrekkeleg til å gje kvart oppdrettsanlegg sitt eige merke. Korleis ein i praksis kan gjennomföra dette utan å leggja om logistikken i norsk havbruksnæring, er ikkje del av prosjektet.

Eit anna grunnforskningsprosjekt testar ut om ein kan nyta sjeldne grunnstoff for å skilja rømt oppdrettslaks frå villaks, og samstundes identifisera opphavet til rømt fisk. I dette forsøket tilset ein dei ulike stoffa til føret. Konseptet krev at forprodusentane lagar kjemisk merke for med ulik komposisjon til ulike oppdrettsanlegg og at ein har oversikt over produksjon og omsetnad av føret.

Konklusjonar

All sporing krev eit operativt feltapparatet

Når føremålet med sporing av kjelda til rømt fisk er å avdekka urapportert røming og årsaker som potensielt kan få strafferetslege konsekvensar, er det ein føresetnad at det går kort tid frå røminga skjer til ein har identifisert kjelda. Då vil ein ha størst sjanse for å finna ut kva som har forårsaka den. Dersom det går tid før det vert samla inn prøvar, vil rømt fisk frå urapporterte episodar spreie seg over større område og blanda seg med rømt fisk frå rapporterte episodar og drypplekkasjar. Dermed vert det uråd å avgjera om ein rømt fisk har opphav i ei rapportert eller ei urapportert rømming. I praksis vil dette medføra at når det i eit vassdrag vert fanga til dømes 50 rømlingar, vil det vera uråd å avgjera om desse stammar frå ei rapportert rømming (som ikkje i seg sjølv er ulovleg) eller om dei kjem frå ei urapportert røming og eventuelt skuldast av årsaker som kunne få strafferetslege følgjer. I fire av dei fem metodane i utgreiinga er det lagt lite vekt på denne problemstillinga. I DNA-beredskapsmetoden har ein imidlertid løyst dette ved å leggja vekt på ein rask respons frå forvaltinga og at innsamling av prøvar skjer konsentrert i tid og rom.

Uavhengig av kva metode som blir valt for sporing av rømt fisk til kjelde, er det påkrevd at det føreligg eit operativt feltapparat som a) registerer rømlingar, b) rapporterer dette til rette instans og c) samlar inn prøvar av rømlingane for vidare identifisering av opphavet. I tillegg må det samlast inn prøvar eller informasjon om oppdrettsfisken sine merkekodar (fysisk, kjemisk eller DNA) i området.

Metode for sporing

Dei ulike metodane har sine fordeler og ulemper, ofta knytt til presisjonsnivå, dyrevelferd, logistikk, marknad eller økonomi. Metodar som omfattar tilsetjing av framande stoff vil kunna medføra negative reaksjonar hos forbrukarane,

sjølv om det kan dokumenterast at tilsette stoff ikkje er helsekadelege.

Metodane er også svært ulike med omsyn på kostnadene ved sjølve merkinga, kva krav til omlegging i norsk havbruksnæring dei medfører, med omsyn på total kostnad for både forvalting og næring, og difor med omsyn på kostnadseffektivitet. Fleire av metodane er framleis på grunnforskningsnivå, og det er difor berre antyda kva type kostnadar dei vil utløysa, sidan det er uråd å antyda omfanget av kostnadene og korleis dette er tenkt finansiert.

Eit anna fellestrekke ved dei fleste metodane, er at dei er primært teknologifokusert, og i liten grad har lagt vekt på praktiske og økonomiske sider ved ei eventuell implementering. I denne oversikten har vi teke omsyn til dei sju kriteria (Tabell 2, kriteria 1-7) som havbruksnæringa saman med forvaltinga og forskningsmiljøa la vekt på i Merkeutvalet. For å tydeleggjera skilnader mellom metodane i praktiske og økonomiske konsekvensar, har vi i tillegg lagt inn tre tilleggsparametrar: (8) krav til omlegging av logistikk i havbruksnæringa med dei krav og utfordringar det stiller til forvaltinga, (9) krav til drift og kvalitetssikring av databasar og (10) krav til operativt feltapparat.

Metodane stiller også ulike krav til forvaltinga med omsyn på reguleringar og omlegging av norsk havbruksnæring, særleg med tanke på at nokre av metodane krev at forvaltinga til ei kvar tid har full oversikt over kva merke (fysisk, kjemisk, DNA) som er bruk til kvar einskild gruppe av fisk, samstundes som ein må halda oversikt over korleis grupper av fisk er sortert, samla og distribuert.

Havforskningsinstituttet konkluderer difor med at det i dag er DNA-beredskapsmetoden som i størst grad oppfyller næringa og forvaltinga sine krav til merkesystem for sporing av rømt fisk.



Tabell 1.
Fordelar og ulemper ved dei mest omtala merkesystema for identifisering av rømt oppdrettslaks.

METODE	FORDELAR	ULEMPER
A. DNA-beredskaps-metoden	<ul style="list-style-type: none"> Ingen tilførsel av fysiske el. kjemiske merke Krev ikkje investering i utstyr Krev ikkje handtering av fisk eller tilpassing av logistikk i næringa Krev ikkje opprettning eller drift av databasar på oppdrettsfisk Utløyser berre kostnadar i konkrete rømings-situasjonar Svært kostnadseffektiv Kostnad kan evt påleggjast forureinar og ikkje heile næringa 	<ul style="list-style-type: none"> Passar ikkje til små drypplekkasjar Krev rask respons etter røminga Krev at forvaltinga har eit beredskaps team Ikkje alle tilfelle vil gje diagnostisk identifisering av enkeltanlegg
B. Fysisk merking av all fisk med snutemerke	<ul style="list-style-type: none"> Nøyaktig identifisering er muleg Identifiserer også drypplekkasjar Identifiserer lenge etter røming (evt. lenge etter slakting) Muleggjer identifisering av oppdrettslaks i naturen, og ev. fjerning frå ville bestandar 	<ul style="list-style-type: none"> Fiskevelferd: handtering, stress, sår Store investeringar i logistikk og utstyr Spørsmål vedrørende tidspunkt for merking og røming Krev fjerning av merke før konsumering Krev omfattande dokumentasjon og forvalting frå styresmakter Merkatap Store årlege driftskostnadar Stor ressursbruk på fisk som ikkje rømer
C. DNA med databasar	<ul style="list-style-type: none"> Ingen tilførsel av fysiske el. kjemiske merke Ingen handtering av fisken Kan spora til klekkeri og evt matfiskarl. Kostnad kan evt påleggjast forureinar og ikkje heile næringa 	<ul style="list-style-type: none"> Krev etablering og drift av store databasar Krev omlegging av logistikk i næringa Store investeringar i logistikk og utstyr Krev omfattande dokumentasjon og forvalting frå styresmakter Store årlege kostnadar
D. Fettfinne-klipping	<ul style="list-style-type: none"> Enkel identifisering av rømt fisk i vassdrag Kun små problem med omsyn til dyrevelferd 	<ul style="list-style-type: none"> Har litau nytte for sporing av rømt fisk til anlegg Muleg velferdsmessige problem ved merking i stor-skala
E. Kjemisk merking via fôr eller vaksine	<ul style="list-style-type: none"> Kostnad med merkinga hos oppdrettar 	<ul style="list-style-type: none"> Merking gjennom krev omfattande kontroll med produksjonen og omsetnaden av dei mange ulikt merka fortypane Merking gjennom vaksine krev tilsvarende kontroll med produksjon og omsetnaden av dei mange ulikt merka vaksinane Mogelege forbrukarreaksjonar på tilføring av kjemikalier i fisken

KRAV TIL MERKEMETODE	A	B	C	*D	E
1. Ikkje innverknad på fiskehelse/ dyrevelferd	+	(-)	+	+	+
2. Ikkje innverknad på marknad/folkehelse	+	-	+	(+)	(-)
3. Fisken kan merkjast før smoltifisering (<10 cm)	+	+	+	+	+
4. Merket må vera ferdig utvikla innan to år	+	+	+	+	-
5. Resultat frå analysar må vera lett tilgjengelege	(-)	(+)	(-)	+	-
6. Eigna til store mengder fisk	+	+	+	+	(+)
7. Total kostnad per merka fisk må vera låg	+	-	-	(+)	(+)
8. Inga omlegging av logistikk i næringa	+	-	-	+	-
9. Inga kvalitetssikring og drift av databasar	+	-	-	+	-
10. Ingen krav til operativt feltapparat	-	-	-	-	-

*Kun for vill vs rømt separasjon

Tabell 2.
Oversikt over korleis dei ulike metodane A–E oppfyller dei krava som havbruksnæringa og forvaltinga stiller til merkemetode, krav til omleggingar av logistikken i næringa og krav til kvalitetssikring og drift av databasar samt krav til operativt feltapparat. Stettar krava:+; stettar ikkje krava:-, stettar krava på visse vilkår (+), avhengig av vilkår (-).

HAVFORSKINGSINSTITUTTET
Institute of Marine Research

Nordnesgaten 50 – Postboks 1870 Nordnes
NO-5817 Bergen – Norway
Tlf: 55 23 85 00 – Faks: 55 23 85 31
E-post: post@imr.no

www.imr.no

HAVFORSKNINGSINSTITUTTET
AVDELING TROMSØ

Sykehusveien 23 – Postboks 6404
NO-9294 Tromsø
Tlf.: +47 55 23 85 00 – Faks: +47 77 60 97 01

HAVFORSKNINGSINSTITUTTET
FORSKNINGSSTASJONEN FLØDEVIGEN
NO-4817 His

Tlf.: +47 55 23 85 00 – Faks: +47 37 05 90 01

HAVFORSKNINGSINSTITUTTET
FORSKNINGSSTASJONEN AUSTEVOLL

NO-5392 Storebø
Tlf.: +47 55 23 85 00 – Faks: +47 56 18 22 22

HAVFORSKNINGSINSTITUTTET
FORSKNINGSSTASJONEN MATRE

NO-5984 Matredal
Tlf.: +47 55 23 85 00 – Faks: +47 56 36 75 85

FISKERIFAGLIG SENTER FOR
UTVIKLINGSSAMARBEID

Centre for Development Cooperation in Fisheries
Tlf.: +47 55 23 85 00 – Fax: + 47 55 23 85 79
E-mail: post@imr.no

REDERIAVDELINGEN

Research Vessels Department

Tlf.: +47 55 23 85 00 – Faks: +47 55 23 85 32

AVDELING FOR SAMFUNNSKONTAKT
OG KOMMUNIKASJON

Tlf.: 55 23 85 38 – Faks: 55 23 85 55
E-post: informasjonen@imr.no

KONTAKTPERSON

Øystein Skaala

Tlf.: 55 23 85 00/476 27 878

E-post: oystein.skaala@imr.no

Kevin Glover

Tlf.: 55 23 63 57

E-post: kevin.glover@imr.no